

 clsa élcv <small>Canadian Longitudinal Study on Aging Étude longitudinale canadienne sur le vieillissement</small>	Titre :	Préparation des échantillons biologiques après le prélèvement		
	Date de la version :	9 avr. 2018	Numéro du document :	SOP_BCP_0003
	Date d'entrée en vigueur :	À PARTIR DU : 15 avr. 2018		
Site de collecte de données (DCS)	Version :	5.0	Nombre de pages :	15

1.0 Objet

Le présent document a pour objet de décrire une procédure uniforme pour la préparation et l'aliquotage des échantillons de sang et d'urine prélevés lors de la visite au Site de collecte de données (DCS) dans les tubes Matrix.

2.0 Portée

Ce document doit être utilisé par tout le personnel de laboratoire des Sites de collecte de données lors de la préparation et l'aliquotage des échantillons de sang et d'urine.

3.0 Responsabilités

Le personnel de laboratoire du DCS a la responsabilité de respecter les consignes décrites dans la version courante et validée du mode opératoire normalisé.

4.0 Documents connexes

- **MAN_BCP_0217_2** – Guide d'utilisation du logiciel LabWare
- **CHA_BCP_0003_1** – Survol de la collecte et de la préparation d'échantillons biologiques à l'ÉLCV
- **CHA_BCP_0003_2** – Boîte d'entreposage Matrix – Emplacement des aliquots d'échantillons biologiques
- **SOP_BCP_0001** – Prélèvement sanguin par ponction veineuse
- **SOP_BCP_0002** – Prélèvement d'échantillons aléatoires d'urine
- **SOP_BCP_0004** – Préparation des tubes Leucosep
- **SOP_BCP_0014** – Coulter A^CT Diff — Analyse d'échantillons de sang entier
- **SOP_BCP_0015** – Coulter A^CT Diff – Évaluation des analyses
- **SOP_BCP_0037** – Fonctionnement et maintenance – Centrifugeuse Eppendorf 5702R
- **SOP_BCP_0040** – Fonctionnement et maintenance – BioCision CoolCell
- **SOP_BCP_0080** – Emballage et envoi des récipients d'expédition d'azote en phase vapeur du site vers la Biobanque
- **SOP_BCP_0406** – Spécifique à chaque site – Élimination des déchets

5.0 Définitions

- **Acide-citrate-dextrose (ACD)** : utilisé comme anticoagulant dans le tube BD à bouchon jaune.

- **Éthylènediamine tétracétique (EDTA)** : utilisé comme anticoagulant dans le tube BD à bouchon lavande.
- **Plasma pauvre en plaquettes (PPP)** : plasma ayant une numération plaquettaire de <10x10⁹.
- **Ponction veineuse** : ponction d'une veine pour prélever des échantillons sanguins.

6.0 Équipement

- Boîte de cryoconservation CoolCell de BioCision, 12 emplacements;
- Centrifugeuse, modèle Eppendorf 5702R avec rotor A4-38;
- Séchoir rapide, GenVault GVG6000;
- Congélateur Isotemp à très basse température, installation sous un comptoir;
- Pipette, modèle Research plus d'Eppendorf, volume variable de 100 µl à 1000 µl;
- Pipette, modèle Research plus d'Eppendorf, 12 canaux de 0,5 à 10 µl;
- Poste de pipetage Flexirack d'Argos;
- Réfrigérateur, modèle 6CADM d'AGA Marvel;
- Agitateur rotatif de Labquake;
- Lecteur de code à barres 2D pour boîte Visionmate de Thermo Fischer Scientific;
- Lecteur pour tube individuel Visionmate One de Thermo Fischer Scientific;
- Décapsuleur 8 canaux, Thermo Fischer Scientific;
- Lecteur de code à barres 2D (Brady Code Reader 3500 ou Honeywell).

7.0 Fournitures

- Étiquettes d'échantillons à code à barres;
- DMSO, 20 % dilué dans un milieu de culture RPMI 1640;
- Tubes à bout rond en polypropylène de 5 ml avec bouchons;
- Tampon de gaze absorbant;
- Gants jetables, sans latex;
- Sarrau de laboratoire;
- Embouts de pipette, jetables;
- Réservoir de réactif multicanal de 25 ml;
- Pipettes de transfert;

- Bac pour déchets pointus et tranchants;
- Boîte d'entreposage Matrix;
- Tubes d'entreposage Matrix avec code à barres 2D à bouchon vissé (0,5 ml, fond en V);
- Tube conique de 10 ml;
- Sac avec fermeture à glissière refermable.

8.0 Marche à suivre

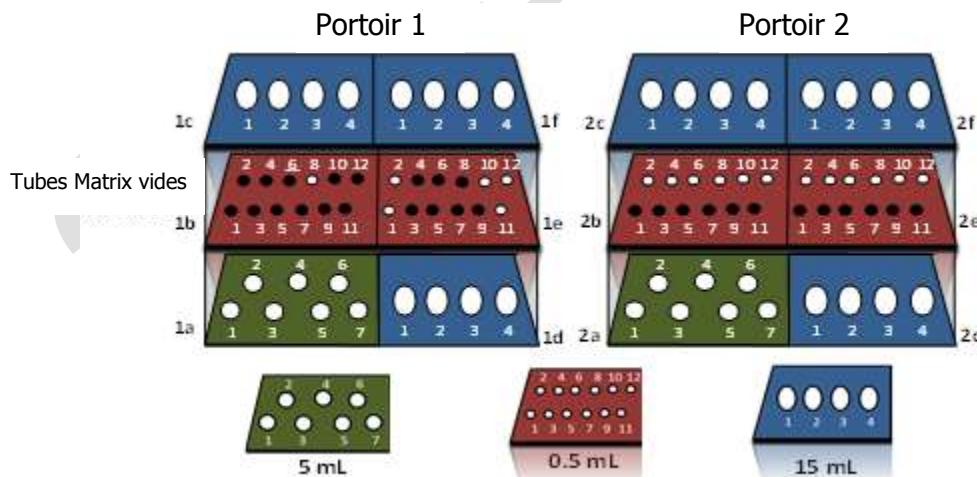
8.1. Rassembler et organiser les fournitures

8.1.1. Rassemblez le matériel suivant :

- 1 x colonne d'étiquettes à échantillons avec code à barres;
- 2 x tubes à bout rond en polypropylène de 5 ml avec bouchon;
- 38 x tubes d'entreposage Matrix avec code à barres 2D à bouchon vissé;
- 1 x pipette 100-1000 ul, 1 x pipette à 12 canaux;
- Pipettes de transfert;
- 1 x tube conique de 10 ml.

8.1.2. Préparez le poste de pipetage Flexi Rack. Utilisez les inserts appropriés et 34 tubes Matrix vides. Voir la **figure 1**.

Figure 1. Disposition du poste de pipetage Flexi Rack pour la préparation des échantillons biologiques après le prélèvement



8.1.3. Préparez la boîte de cryoconservation CoolCell de BioCision. Voir le manuel *SOP_BCP_0040 – Fonctionnement et de maintenance – BioCision CoolCell*.

8.2. Instructions générales

8.2.1 Lorsque vous remplissez les tubes, tenez la pipette près de la partie inférieure et déplacez-la du bas vers le haut en la remplissant pour éviter les éclaboussures.

- 8.2.2 Utilisez un petit tampon de gaze absorbant pour contenir les aérosols qui pourraient s'échapper lorsque vous débouchez les tubes.
- 8.2.3 Enlevez manuellement les bouchons des tubes Matrix avec codes à barres 2D au fur et à mesure que vous avez besoin de ceux-ci.
- 8.2.4 Placez les bouchons retirés sur une surface propre, l'extrémité ouverte vers le haut. Veillez à ne pas contaminer les bouchons.
- 8.2.5 Afin d'empêcher les fuites et le dessèchement des échantillons dans le congélateur, utilisez le capsuleur-décapsuleur à 8 canaux Thermo Scientific pour resserrer tous les bouchons des tubes Matrix avec codes à barres 2D.
- 8.2.6 Utilisez un embout de pipette et une pipette de transfert neufs pour chaque type d'échantillons.
- 8.2.7 Assurez-vous d'entrer correctement la date et l'heure dans la fenêtre contextuelle de LabWare.
- 8.2.8 Tous les échantillons, à l'exception des tubes Leucosep, doivent être préparés dans les deux heures suivant la collecte.

IMPORTANT : Assurez-vous que les écarts concernant les volumes des aliquots, l'hémolyse, l'hyperlipidémie ou d'autres commentaires sur les échantillons ont bien été inscrits dans LabWare (consultez le document ***MAN_BCP_0217_2 – Guide d'utilisation du logiciel LabWare***).

8.3 Précentrifugation

- 8.3.1 Passez en revue le document ***CHA_BCP_0003_1 – Survol de la collecte et de la préparation des échantillons biologiques à l'ÉLCV***.
- 8.3.2 Regroupez les tubes et le contenant d'urine remplis. Consulter les documents ***SOP_BCP_0001 – Prélèvement sanguin par ponction veineuse*** et ***SOP_BCP_0002 – Prélèvement d'échantillons aléatoires d'urine***.
- 8.3.3 Dans LabWare, à l'onglet **Sample Processing**, sous **Tube shaker**, cliquez sur **Start** et balayez le code à barres linéaire de chacun des tubes suivants :
 - 1 x 3 ml EDTA (bouchon lavande) 
 - 1 x 6 ml EDTA (bouchon lavande) 
 - 3 x 6 ml ACD (bouchon jaune) 
 Assurez-vous d'inscrire correctement la date et l'heure dans la fenêtre contextuelle.
- 8.3.4 Placez les tubes indiqués à l'étape 8.3.3 sur l'agitateur rotatif.
- 8.3.5 Placez les autres tubes restants dans la rangée du fond du poste de pipetage Flexi Rack. Il est recommandé de conserver les tubes de prélèvement en position verticale lors de la préparation des échantillons destinés à des biobanques.

Les tubes Leucosep devront être préparés et congelés dans les six heures suivant le prélèvement. Consulter le document *SOP_BCP_0004 – Préparation des tubes Leucosep*. Le tube ACD peut être préparé par lot dans les deux heures suivant le prélèvement. Consulter la section **8.14 Préparation du tube ACD** pour d'autres instructions.

8.4 Aliquots de sang entier

- 8.4.1 Enlevez les bouchons des tubes Matrix avec codes à barres 2D placés dans le portoir 1, section 1b, aux positions 2, 4 et 6. Voir la **figure 3** et le **tableau 1**.
- 8.4.2 Le tube EDTA de 6 ml doit demeurer sur l'agitateur rotatif pendant au moins 3 minutes. Ensuite, prenez ce tube EDTA de 6 ml et placez-le dans le portoir 1, section 1a, position 7 du poste de pipetage Flexi Rack.
- 8.4.3 Dans LabWare, à la section **Sample Processing**, sous **Tube Shaker**, cliquez sur **Stop**. Balayez le code à barres linéaire sur le tube EDTA de 6 ml dans LabWare. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.
- 8.4.4 Enlevez le bouchon du tube EDTA de 6 ml.
- 8.4.5 Déposez à l'aide d'une pipette 500 µl de sang dans les tubes Matrix avec code à barres 2D débouchés, placés sur le portoir 1, section 1b, aux positions 2, 4 et 6.
- 8.4.6 Rebouchez les tubes Matrix avec code à barres 2D.
- 8.4.7 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur **0.5 mL Matrix Tube**.
- 8.4.8 Balayez le code à barres linéaire du tube EDTA de 6 ml. Puis, lorsque l'on vous le demande, balayez les tubes Matrix avec code à barres 2D à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel.

Figure 3. Disposition du poste de pipetage FlexiRack pour la préparation des échantillons biologiques après le prélèvement

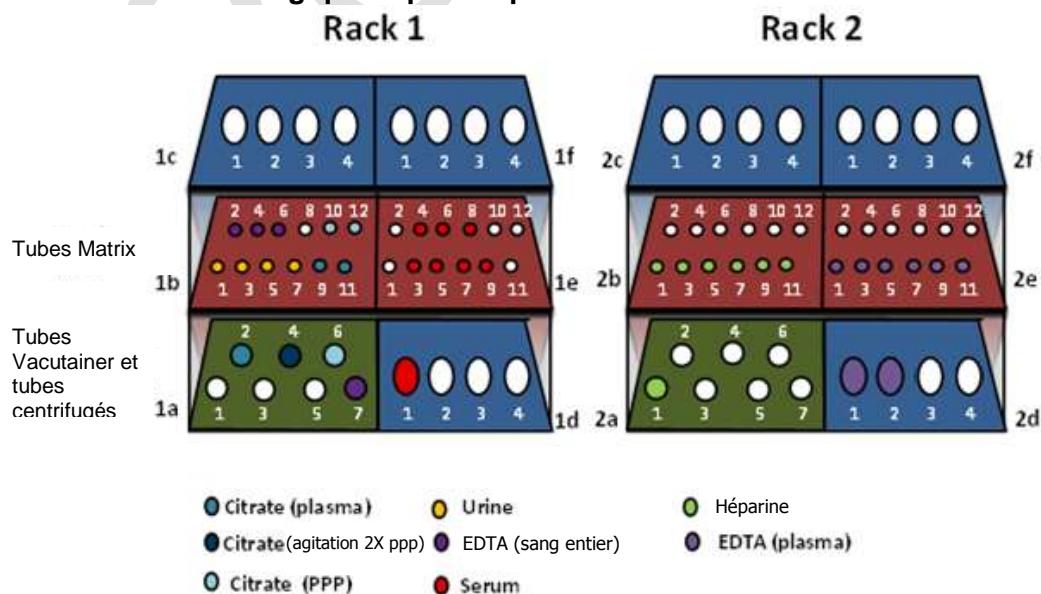


Tableau 1. Position des tubes avec code à barres 2D sur le poste de pipetage Flexi Rack durant la préparation des échantillons biologiques après le prélèvement

Portoir	Section	Positions	Type d'échantillon	Étape
1	1b	1, 3, 5, 7	Urine	8.10
1	1b	2, 4, 6	EDTA – sang	8.4
1	1b	9, 11	Plasma citraté	8.11
1	1b	10, 12	PPP citraté	8.11
1	1e	3, 4, 5, 6, 7, 8, 9	Sérum	8.12
2	2b	1, 3, 5, 7, 9, 11	Plasma hépariné	8.11
2	2e	1, 3, 5, 7, 9, 11	Plasma avec EDTA	8.11

8.5 Centrifugation de plusieurs échantillons

8.5.1 Rassemblez le matériel suivant :

- 2 x 2,7 ml Citrate (bouchon bleu)
- 1 x 10 ml Héparine (bouchon vert)
- 3 x 6 ml EDTA (bouchon lavande)



8.5.2 Retournez délicatement chacun des tubes de 5 à 10 fois.

8.5.3 Dans LabWare, à l'onglet **Sample Processing**, sous le bouton **Centrifuge « Multiple Samples »**, cliquez sur **Start**; balayez chacun des codes à barres linéaires des tubes énumérés à l'étape 8.5.1 dans LabWare. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle. Placez chacun des tubes de manière équilibrée dans les nacelles de la centrifugeuse après la numérisation.

8.5.4 Fixez les couvercles des nacelles.

8.5.5 Fermez le couvercle de la centrifugeuse.

8.5.6 Centrifugez à 2,0 fcr (2000 g) pendant 10 minutes à une température de 22 °C en activant le freinage progressif (réglage SOFT). Le recours au freinage en douceur empêche la perturbation du gradient.

REMARQUE : Préparez les aliquots d'urine pendant la centrifugation (ou à n'importe quelle étape de la préparation). Voir les sections 8.2 Instructions générales et 8.10 Aliquotage des échantillons d'urine.

REMARQUE : Il est aussi possible d'aliquer les échantillons d'ACD pendant cette centrifugation (consultez la section 8.14 Préparation du tube ACD).

8.5.7 Lorsque la centrifugeuse s'arrête, ouvrez le couvercle.

8.5.8 Retirez les couvercles des nacelles.

8.5.9 Dans LabWare, à l'onglet **Sample Processing**, sous « **Multiple Samples** », cliquez sur **Stop**. Retirez chacun des tubes sans perturber les couches de sang et balayez le code à barres linéaire de chacun des tubes dans LabWare. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.

8.5.10 Placez les tubes dans le poste de pipetage Flexi Rack. Voir la **figure 3**.

8.6 Préparation du plasma pauvre en plaquettes (PPP) pour la centrifugation

8.6.1 Enlevez le bouchon d'un des deux tubes avec citrate.

8.6.2 Au moyen d'une pipette de transfert neuve, transférer le plasma dans le tube à bout rond en polypropylène de 5 ml portant l'étiquette indiquant « PPP ». Aspirez lentement, en suivant le plasma le long de la paroi du tube. N'aspirez pas tout le plasma afin d'éviter le transfert de cellules. Retirez environ les $\frac{3}{4}$ du plasma à partir du haut pour remplir la pipette tout juste au-dessus de 1 ml.

8.6.3 Rebouchez le tube contenant le citrate.

8.6.4 Bouchez le tube à bout rond en polypropylène de 5 ml.

8.7 Centrifugation du plasma citraté

8.7.1 Dans LabWare, à la section **Sample Processing**, sous **Centrifuge « Single Sample »**, cliquez sur **Start**.

8.7.2 Balayez le code à barres linéaire du tube à bout rond en polypropylène de 5 ml.

8.7.3 Placez-le de manière équilibrée dans une nacelle de la centrifugeuse.

8.7.4 Fixez les couvercles des nacelles.

8.7.5 Fermez le couvercle de la centrifugeuse.

8.7.6 Centrifugez à 1,5 fcr (1500 g) pendant 5 minutes à une température de 22 °C avec le freinage progressif (réglage SOFT).

REMARQUE : Faire l'analyse hématologique pendant la centrifugation (ou à n'importe quelle étape de la préparation). Voir la section 8.9 **Tests d'hématologie**.

8.7.7 Lorsque la centrifugeuse s'arrête, ouvrez le couvercle.

8.7.8 Retirez les couvercles des nacelles.

8.7.9 Retirez le tube à bout rond en polypropylène de 5 ml de la centrifugeuse.

8.7.10 Dans LabWare, à la section **Sample Processing**, sous **Centrifuge Single Sample**, cliquez sur **Stop**.

8.7.11 Balayez le tube à bout rond en polypropylène de 5 ml. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.

8.7.12 Placez-le dans le portoir 1, section 1a, position 6 du poste de pipetage Flexi Rack.

8.8 Centrifugation de sang coagulé (sérum)

8.8.1 Le tube de sérum de 10 ml doit rester dans le poste de pipetage Flexi Rack pendant au moins 30 minutes après le prélèvement. Vérifiez que le sang a coagulé avant de poursuivre la préparation. On devrait constater une plus grande turbidité de l'échantillon sanguin. Tapotez le tube dans votre main pour

vous assurer que le caillot bouge librement avant de le placer dans la centrifugeuse.

REMARQUE : Si un caillot mou est visible, laissez reposer l'échantillon pour que la coagulation s'effectue complètement. Pour vérifier que l'échantillon est complètement coagulé, inclinez le tube de sérum. Vous pourrez alors vous assurer que du sérum est déjà séparé avant de tapoter l'échantillon.

- 8.8.2 Apportez le tube non ouvert dans la centrifugeuse.
- 8.8.3 Dans LabWare, à la section Sample Processing, sous Centrifuge et Single Sample, cliquez sur Start. Balayez le code à barres linéaire du tube contenant le sérum. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.
- 8.8.4 Placez le tube de sérum de manière équilibrée dans la nacelle de la centrifugeuse.
- 8.8.5 Fixez les couvercles des nacelles.
- 8.8.6 Fermez le couvercle de la centrifugeuse.
- 8.8.7 Centrifugez à 2,0 fcr (2000 g) pendant 10 minutes à une température de 22 °C avec le freinage progressif (réglage SOFT).

REMARQUE : Préparez les aliquots de plasma et du plasma pauvre en plaquettes pendant la centrifugation. Voir les sections 8.2 Instructions générales et 8.11 Aliquotage du plasma et du plasma pauvre en plaquettes.

- 8.8.8 Lorsque la centrifugeuse s'arrête, ouvrez le couvercle.
- 8.8.9 Retirez les couvercles des nacelles.
- 8.8.10 Dans LabWare, à l'onglet **Sample Processing**, sous **Centrifuge et Single Sample**, cliquez sur **Stop**. Retirez le tube contenant le sérum sans perturber les couches de sang et balayez le code à barres linéaire du tube. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.
- 8.8.11 Placez le tube contenant le sérum dans le poste de pipetage Flexi Rack sur le portoir 1, section 1d, à la position 1.
- 8.8.12 Passez à la section 8.12 Aliquotage du sérum.

8.9 Tests d'hématologie

- 8.9.1 Retirez le tube EDTA de 3 ml de l'agitateur. Assurez-vous que l'échantillon a été mélangé pendant au moins 3 minutes afin de permettre au sang et à l'anticoagulant de s'équilibrer.
- 8.9.2 Dans LabWare, à la section **Sample Processing**, sous **Tube Shaker**, cliquez sur **Stop** et balayez le code à barres. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.
- 8.9.3 Enlevez le bouchon du tube EDTA de 3 ml.

- 8.9.4 Effectuez les tests d'hématologie à l'aide de l'analyseur Coulter Ac•T Diff. Voir les documents *SOP_BCP_001 – Coulter A^C•T Diff – Analyse d'échantillons de sang entier* et *SOP_BCP_0015 – Coulter A^C•T Diff – Évaluation des analyses*.
- 8.9.5 Rebouchez le tube EDTA de 3 ml et replacez-le dans la rangée arrière du poste Flexi Rack en attendant de le jeter.
- 8.9.6 Ouvrez un chiffrier Microsoft Excel en double-cliquant sur le dossier macro Excel intitulé « Beckman Coulter Act Data Collection.xlsx ». Ce dossier devrait se trouver sur le bureau de l'ordinateur du laboratoire.
- 8.9.7 Une fois les résultats transférés, l'ordinateur vous demandera si vous voulez copier le clip (« Do you want to copy the clip? »). Cliquez sur « Yes ».
- 8.9.8 Dans LabWare, à l'onglet **Sample Processing**, cliquez sur l'icône **Ac•T diff. Analyzer**. Balayez le code à barres linéaire du tube EDTA de 3 ml et cliquez sur **OK**. Une fenêtre intitulée « Paste Beckman Coulter Result Data » apparaîtra. Copiez les résultats du clip dans la fenêtre.

8.10 Aliquotage des échantillons d'urine

- 8.10.1 Débouchez les tubes Matrix avec code à barres 2D se trouvant sur le portoir 1, section 1b, aux positions 1,3, 5 et 7.
- 8.10.2 Prenez le contenant d'urine et vérifiez si son couvercle est fermé hermétiquement.
- 8.10.3 Mélangez l'urine en retournant délicatement le contenant 5 fois.
- 8.10.4 Observez l'échantillon d'urine. Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur **Sample Characteristic Comments**. Remplissez les champs requis tels que décrits dans le document *MAN_DCS_0217_2 – Guide d'utilisation du logiciel LabWare*.
- 8.10.5 Ouvrez le contenant d'urine doucement afin d'éviter les débordements.
- 8.10.6 Déposez, à l'aide d'une pipette, 500 µl d'urine dans les tubes Matrix avec code à barres 2D débouchés qui se trouvent sur le portoir 1, section 1b, aux positions 1, 3, 5 et 7.
- 8.10.7 Rebouchez les tubes Matrix avec code à barres 2D et le contenant d'urine.
- 8.10.8 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur le bouton **0.5mL Matrix Tube**. Balayez le code à barres linéaire du contenant original d'urine.
- 8.10.9 Balayez chacun des tubes Matrix avec code à barres 2D contenant l'urine à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel.

8.11 Aliquotage du plasma et du plasma pauvre en plaquettes

Plasma citraté

- 8.11.1 Enlevez les bouchons des tubes Matrix avec code à barres 2D correspondant au plasma citraté, situés sur le portoir 1, section 1b, aux positions 9 et 11. Voir la **figure 3** et le **tableau 1**.
- 8.11.2 Enlevez le bouchon du tube contenant le plasma citraté de 2,7 ml restant.

- 8.11.3 À l'aide d'une pipette, déposez 500 µl de plasma dans les tubes Matrix avec code à barres 2D débouchés, situés sur le portoir 1, section 1b, aux positions 9 et 11.
- 8.11.4 Rebouchez le tube contenant le plasma citraté de 2,7 ml.
- 8.11.5 Vissez les bouchons des tubes Matrix avec code à barres 2D.
- 8.11.6 Dans LabWare, à l'onglet **Sample Aliquoting**, cliquez sur **Aliquot Plasma**.
Balayez le code à barres linéaire du tube contenant le plasma citraté de 2,7 ml.
- 8.11.7 Balayez chacun des tubes Matrix avec code à barres 2D contenant le plasma citraté à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel.

Plasma pauvre en plaquette (PPP) citraté

- 8.11.8 Enlevez les bouchons des tubes Matrix avec code à barres 2D correspondant au PPP citraté, se trouvant sur le portoir 1, section 1b, aux positions 10 et 12. Voir la **figure 3** et le **tableau 1**.
- 8.11.9 Enlevez le bouchon du tube à bout rond en polypropylène de 5 ml portant l'étiquette « PPP ».
- 8.11.10 À l'aide d'une pipette, déposez 500 µl de plasma pauvre en plaquettes dans les tubes Matrix avec code à barres 2D débouchés situés sur le portoir 1, section 1b, aux positions 10 et 12.

REMARQUE : Ne pas utiliser le dernier ¼ de plasma se trouvant dans le fond du tube. Ne pas perturber les cellules situées au fond du tube, qu'elles soient visibles ou non.

- 8.11.11 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur le bouton **0.5 mL Matrix Tube**. Balayez le code à barres linéaire du tube à bout rond en polypropylène de 5 ml portant l'étiquette « PPP ».
- 8.11.12 Balayez chacun des tubes Matrix avec code à barres 2D contenant le plasma pauvre en plaquettes à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel.

Plasma hépariné

- 8.11.13 Enlevez les bouchons des tubes Matrix avec code à barres 2D correspondant au plasma hépariné situés sur le portoir 2, section 2b, aux positions 1, 3, 5, 7, 9 et 11. Voir la **figure 3** et le **tableau 1**.
- 8.11.14 Enlevez le bouchon du tube de 6 ml contenant l'héparine.
- 8.11.15 À l'aide d'une pipette, déposez 500 µl de plasma dans les tubes Matrix avec code à barres 2D débouchés, situés sur le portoir 2, section 2b, aux positions 1, 3, 5, 7, 9 et 11.
- 8.11.16 Rebouchez le tube de 6 ml contenant l'héparine.
- 8.11.17 Vissez les bouchons sur les tubes Matrix avec code à barres 2D.
- 8.11.18 Dans le LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur **Aliquot Plasma**; balayez le code à barres linéaire du tube de 6 ml contenant l'héparine.

- 8.11.19 Balayez chacun des tubes Matrix avec code à barres 2D contenant le plasma hépariné à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel.

8.12 Aliquotage du sérum

- 8.12.1 Enlevez les bouchons des tubes Matrix avec codes à barres 2D correspondant au sérum situés sur le portoir 1, section 1e, aux positions 3-9. Voir la **figure 3** et le **tableau 1**.

- 8.12.2 Enlevez le bouchon du tube de 10 ml contenant le sérum.

- 8.12.3 À l'aide d'une pipette, déposez 500 µl de sérum dans les tubes Matrix avec code à barres 2D débouchés, situés sur le portoir 1, section 1, aux positions 3-9.

- 8.12.4 Rebouchez le tube de 10 ml contenant le sérum.

- 8.12.5 Vissez les bouchons des tubes Matrix avec code à barres 2D.

- 8.12.5.1 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquotting**, cliquez sur le bouton **0.5 ml Matrix Tube**. Balayez le code à barres linéaire du tube contenant le sérum.

- 8.12.6 Balayez chacun des tubes Matrix avec code à barres 2D contenant les échantillons de sérum à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel.

8.13 Inscription dans l'inventaire des échantillons et entreposage à court terme

- 8.13.1 Obtenez une boîte d'entreposage Matrix permanente pour le participant. Vous pouvez vous la procurer à l'entrepôt ou dans le congélateur Isotemp à très basse température, pour dessous de comptoir, si elle est destinée aux échantillons du premier, du deuxième ou du troisième participant qui seront stockés dans la boîte.

- 8.13.2 Placez une pièce colorée dans le coin des trois boîtes Matrix (boîte A – rouge; boîte B – bleu; boîte C – vert). Transférez tous les tubes Matrix avec code à barres 2D remplis se trouvant sur le poste de pipetage Flexi Rack dans la boîte Matrix en vous référant au document *CHA_BCP_0003_2 – Boîte d'entreposage Matrix – Emplacement des aliquots d'échantillons biologiques*. Une fois la boîte pleine, ajoutez des pièces colorées supplémentaires dans les quatre coins (voir image ci-dessous).

- 8.13.3 Placez le couvercle sur la boîte Matrix et verrouillez-le.

- 8.13.4 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur **Freeze Samples**. Entrez le numéro de l'entrevue. LabWare affichera une liste des ensembles d'aliquots qui sont prêts à être congelés. Vérifiez que le nombre d'aliquots pour chaque échantillon est exact. Sélectionnez-les tous s'il n'y pas d'écart et cliquez sur **OK**.

- 8.13.5 Après avoir sélectionné tous les échantillons à congeler, cliquez sur **OK**.

- 8.13.6 S'il y a un écart quelconque entre le nombre d'aliquots ou s'il y a un problème avec la date et l'heure entrées dans LabWare, écrivez immédiatement à lims@clsa-elcv.ca et créez un billet dans WebIssue.

- 8.13.7 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur **ScanMatrix Box**; balayez le code à barres linéaire de la boîte Matrix. Cliquez sur **OK**. Consultez la section **8.15 Balayage de la boîte Matrix à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour l'entreposage**. Copiez les données sur le contenu de la boîte Matrix du logiciel Thermo et collez-les dans la fenêtre contextuelle.
- 8.13.8 Assurez-vous que toute déviation dans les volumes d'aliquots, hémolyse, lipémie ou autres commentaires relatifs aux échantillons sont notés dans LabWare (consulter le document *MAN_BCP_0217_2 – Guide d'utilisation du logiciel LabWare*).
- 8.13.9 Placez la boîte Matrix dans le congélateur Isotemp à très basse température, pour installation sous le comptoir.

8.14 Préparation du tube ACD

REMARQUE : Lorsque le tube ACD est passé entre 3 minutes et deux heures dans l'agitateur rotatif (voir les étapes 8.3.3 et 8.3.4), effectuez la préparation du tube ACD Vacutainer. Afin de maximiser l'utilisation des contenants de cryoconservation CoolCell de BioCision, regroupez les échantillons de deux participants, si possible.

- 8.14.1 Procurez-vous deux tubes Matrix avec code à barres 2D et placez-les sur le poste de pipetage Flexi Rack.
- 8.14.2 Enlevez les bouchons des tubes Matrix avec code à barres 2D.
- 8.14.3 Prenez la solution de DMSO/RPMI dans le réfrigérateur du laboratoire.
- 8.14.4 À l'aide d'une pipette, déposez 250 µl de la solution DMSO/RPMI dans les tubes Matrix avec code à barres 2D.
- 8.14.5 Si le tube ACD a été dans l'agitateur pendant au moins trois minutes, retirez le tube ACD de l'agitateur.
- 8.14.6 Dans LabWare, à la section **Sample Processing**, sous **Tube Shaker**, cliquez sur **Stop** et balayez le code à barres linéaire. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.
- 8.14.7 Enlevez le bouchon du tube ACD.
- 8.14.8 À l'aide d'une pipette, déposez 250 µL de sang dans les tubes Matrix avec code à barres 2D débouchés à l'étape 8.14.6.
- 8.14.9 Rebouchez le tube ACD.

REMARQUE : Si vous devez traiter plus d'un tube ACD, suivre les étapes 8.14.2 à 8.14.9 jusqu'à ce que tous les tubes ACD aient été traités.

- 8.14.10 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquotting**, cliquez sur **0.5 mL Matrix Tube** et balayez le code à barres linéaire tube ACD.
- 8.14.11 Vissez les bouchons sur les tubes Matrix avec code à barres 2D.
- 8.14.12 Balayez les tubes Matrix avec code à barres 2D contenant les échantillons ACD (étape 8.14.10) à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel.

8.14.13 Retournez délicatement les tubes Matrix avec code à barres 2D 5 fois pour en mélanger le contenu.

8.14.14 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, sous **1 °C/min Freezing**, cliquez sur **Start** et balayez le code à barres linéaire du tube ACD. Assurez-vous que la date et l'heure exactes sont entrées dans la fenêtre contextuelle.

8.14.15 Placez les tubes Matrix avec code à barres 2D dans le contenant de cryoconservation CoolCell de BioCision et placez-la dans le congélateur à -80 °C.

Très important : Le contenant de cryoconservation CoolCell de BioCision et l'anneau de refroidissement doivent être à la température ambiante avant leur utilisation. Ils devraient atteindre la température ambiante en 10-15 minutes, si l'anneau de refroidissement solide au centre est retiré.

8.14.16 Retirez les tubes Matrix avec code à barres 2D du contenant de cryoconservation CoolCell de BioCision après un délai **minimal** de quatre heures. Un refroidissement insuffisant endommagera les cellules et réduira le rendement de cellules vivantes.

8.14.17 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, sous le bouton **1 °C/min Freezing**, cliquez sur **Stop** et balayez n'importe lequel des codes à barres linéaires des deux tubes Matrix ACD avec code à barres 2D. Assurez-vous d'inscrire correctement la date et l'heure dans la fenêtre contextuelle.

8.14.18 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting**, cliquez sur le bouton **Freeze Samples**. Balayez le code à barres 2D des tubes d'aliquots ACD à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour tube individuel. Vérifiez et sélectionnez l'échantillon ACD à congeler et cliquez sur OK.

8.14.19 Reprenez les étapes 8.14.14 à 8.14.18 pour tous les tubes Matrix ACD avec code à barres 2D, et préparez le contenant de cryoconservation CoolCell de BioCision pour une réutilisation. Voir le document *SOP_BCP_0040 – Fonctionnement et Maintenance – BioCision CoolCell*.

8.14.20 Transférez tous les tubes Matrix avec code à barres 2D du contenant de cryoconservation CoolCell de BioCision aux boîtes Matrix. Utilisez le capsuleur/décapsuleur pour bien fermer les bouchons des tubes Matrix.

8.14.21 Placez les boîtes Matrix dans le congélateur Isotemp à très basse température.

8.15 Balayage de la boîte Matrix à l'aide du lecteur de code à barres 2D pour l'entreposage

8.15.1 Assurez-vous que le logiciel Thermo est ouvert dans l'ordinateur. Assurez-vous qu'il est bien réglé dans le mode rack.

8.15.2 Dégivrez le dessous de la boîte Matrix afin de vous assurer que les codes à barres sont lisibles. Pour y arriver, placez le dessous de la boîte sur une éponge imprégnée d'alcool pur à 100 % et essuyez la condensation avec un linge sans peluche. Cela devrait permettre de faire fondre la glace et le givre qui se sont formés sur le dessous de la boîte.

8.15.3 Placez la boîte Matrix sur le lecteur. Lorsqu'on vous le demande, balayez l'étiquette de la boîte et appuyez sur **Enter**.

- 8.15.4 Vérifiez à l'écran s'il manque des codes à barres dans le fichier situé en bas de l'écran. S'il manque des échantillons dans certains emplacements, essuyez de nouveau le dessous de la boîte Matrix et balayez-la de nouveau en suivant les étapes 8.15.1 à 8.15.3.
- 8.15.5 Dans le logiciel Thermo, utilisez le bouton **Copy All** pour saisir tous les codes à barres de la boîte.
- 8.15.6 Dans LabWare, à la section **Sample Aliquoting** et balayez le code à barres linéaire dans la boîte de dialogue **Scan Matrix Box** et cliquez sur **OK**.

REMARQUE : Le fichier sera automatiquement importé. Si l'opération échoue, collez le contenu à partir du logiciel de numérisation du lecteur de code à barres de la boîte Matrix (Thermo scan).

- 8.15.7 Une nouvelle boîte de dialogue s'affichera. Collez le contenu du presse-papiers contenant les résultats du balayage Thermo dans la boîte de dialogue **Paste Matrix Box Data** et cliquez sur **OK**.
- 8.15.8 Remettez la boîte Matrix dans le congélateur à une température de -80°C.

Très important : Avant de terminer avec le participant, ouvrez le dossier **Sample Folder** et assurez-vous que les bêchers sont pleins pour tous les échantillons préparés. Si un bêcher n'est pas plein, procédez aux étapes décrites dans le document *MAN_BCP_0217_2 – Guide d'utilisation du logiciel LabWare*. Si le problème ne peut pas être résolu, créez un billet dans WebIssue à l'adresse <https://clsacloud.clsaelcv.ca/webissues/client>.

8.16 Élimination des déchets

- 8.16.1 Dans LabWare, à la section **Sample Processing**, cliquez sur le bouton **Dispose Sample** et balayez les codes à barres linéaires de tous les échantillons que vous allez jeter.
- 8.16.2 Cliquez sur **OK** lorsque vous aurez fini le balayage et une liste des échantillons à jeter s'affichera.
- 8.16.3 Conformément aux procédures du document *SOP_BCP_0009 – Spécifique au site – Élimination des déchets*, jetez tous les tubes, les tubes coniques de 15 ml, les tubes à bout rond en polypropylène de 5 ml utilisés ainsi que le sang entier, le plasma, le sérum et les consommables utilisés.
- 8.16.4 Jetez l'urine qui reste dans la toilette et jetez le contenant vide.

9.0 Documentation et formulaires

- **CRF_BCP_0002** — Fiche d'observations : Prélèvement d'urine seulement
- **CRF_BCP_0001** — Fiche d'observations : Prélèvement de sang
- **DOC_BCP_0058_9** — Downtime –Daily Time Zero Participant Specimen Log
- **DOC_BCP_0067_10** — Temps d'arrêt – Temps d'entreposage quotidien des boîtes Matrix

10.0 Références

- Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI) H18-A4 Procedures for the Handling and Processing of Blood Specimens for Common Laboratory Tests; Approved Guideline – quatrième édition, vol. 30, n° 10.
- Imagen Standard Operating Procedure (SOP) Work Package 8 Sample Collection and Processing. Mai 2008

Historique des révisions – 2^e suivi

N° de la nouvelle version	Date de la révision	Auteur de la révision	Approbation du contenu
5.0	9 avr. 2018	Chetna Naik	Cynthia Balion
Résumé des révisions			
À la section 7.0, Ajout de la référence au lecteur de code à barres 2D pour inclure le Brady Code Reader et le Honeywell			
Retrait des mentions à la couche leucoplaquettaire, car n'est plus prélevé au 2 ^e suivi.			
Mise à jour des figures et des tableaux pour indiquer le retrait de la couche leucoplaquettaire et les changements à la collecte d'aliqouts (7 au lieu de 8). La configuration des aliquots dans le portoir Flexi Rack a été modifiée.			
Retrait des mentions à la GenPlate, car n'est plus prélevé.			
L'Étape 8.9.1 demande maintenant que le tube EDTA de 3 ml soit mélangé au moins 3 minutes pour équilibrer le sang et l'anticoagulant. Le protocole a été modifié pour passer de 30 minutes à 3 minutes.			