

Projet approuvé par l'ÉLCV

Demandeur

Dre Sarah Gagliano Taliun, Université de Montréal

Adresse courriel

sarah.gagliano@icm-mhi.org

Titre du projet

Visualisation interactive des associations entre les variantes et les traits génétiques dans l'ensemble de données de l'ÉLCV

Résumé du projet

L'ÉLCV a recueilli de l'information sur des milliers de traits et des centaines de millions de variantes génétiques auprès d'environ trente mille Canadien·nes. Passer en revue tous les résultats sur les associations gène-maladie manuellement, trait par trait et variante par variante, n'est pas un moyen efficace ou exhaustif pour permettre des avancées scientifiques. Un moyen efficace pour tirer des nouvelles informations sur la santé des Canadien·nes à partir de quantités aussi importantes de données sur la santé et la maladie est de rendre accessibles aux chercheur·ses, de manière intuitive et facile d'utilisation, les résultats des associations issues d'études génétiques à grande échelle. Dans ce projet, nous créerons une instance de PheWeb – notre outil Web interactif permettant de visualiser et de parcourir des centaines voire des milliers de résultats d'associations génétiques de manière efficace et intuitive – qui mettra tous les résultats d'associations tirées de l'ÉLCV à la disposition des chercheur·ses, ce qui facilitera le partage de données et la collaboration au sein de la communauté scientifique.

Mots clés

association pangénomique, association panphénomique, navigateur interactif, partage de données